



## FRONTESPIZIO PROTOCOLLO GENERALE

AOO: ASL\_BO  
REGISTRO: Protocollo generale  
NUMERO: 0046757  
DATA: 28/04/2020  
OGGETTO: Indagine di mercato relativa alla fornitura di n. 1 Apparecchiatura per sequenziamento massivo basato su metodo di sequenziamento Next Generation Sequencing (NGS) da destinare all'Istituto Ortopedico Rizzoli di Bologna

SOTTOSCRITTO DIGITALMENTE DA:

Rosanna Campa

CLASSIFICAZIONI:

- [01-07-07]

DOCUMENTI:

File	Firmato digitalmente da	Hash
PG0046757_2020_Lettera_firmata.pdf:	Campa Rosanna	0C8E41C877A2360BFC90B2772336DEA0 7CD1D8DBBA1E5FC70D0E6AE2B54487F A



L'originale del presente documento, redatto in formato elettronico e firmato digitalmente e' conservato a cura dell'ente produttore secondo normativa vigente.  
Ai sensi dell'art. 3bis c4-bis Dlgs 82/2005 e s.m.i., in assenza del domicilio digitale le amministrazioni possono predisporre le comunicazioni ai cittadini come documenti informatici sottoscritti con firma digitale o firma elettronica avanzata ed inviare ai cittadini stessi copia analogica di tali documenti sottoscritti con firma autografa sostituita a mezzo stampa predisposta secondo le disposizioni di cui all'articolo 3 del Dlgs 39/1993.



**OPERATORI ECONOMICI VARI  
LORO SEDI**

**OGGETTO:** Indagine di mercato relativa alla fornitura di n. 1 Apparecchiatura per sequenziamento massivo basato su metodo di sequenziamento Next Generation Sequencing (NGS) da destinare all'Istituto Ortopedico Rizzoli di Bologna

Dovendo procedere ad una successiva gara pubblica, con la presente si richiede a Codesta ditta se produce e/o commercializza le attrezzature meglio indicate in oggetto e che dovranno avere le seguenti caratteristiche:

- Apparecchiatura per sequenziamento massivo basato su metodo di sequenziamento Next Generation Sequencing (NGS)
- Sistema per analisi di ampliconi, pannelli di geni e esoma
- Il sistema deve permettere la processazione e l'analisi di pannelli di geni, esomi e trascrittomi su un unico strumento
- Sistema in grado di generare almeno 2.500.000 di Reads per singola corsa
- Letture a scalare da 2.500.000 a 80.000.000 milioni di letture, per ottimizzare la corsa analitica al carico di lavoro richiesto dal laboratorio
- Comprensivo di tutto l'hardware ed il software necessario al corretto e completo funzionamento, incluso spazio di almeno 10 TeraByte per la memorizzazione delle analisi
- Analisi in locale con allineamento automatico delle sequenze e riconoscimento delle eventuali mutazioni
- Esecuzione di due corse in massimo 24 ore, alla massima lunghezza proposta
- Capacità di lettura da 100 a (almeno) 400 basi in singola lettura
- Materiale di partenza minimo: 10 ng di DNA (sia campioni fissati in formalina e inclusi in paraffina che non fissati)
- Processo di preparazione della libreria di ampliconi, preparazione dei templati e sequenziamento gestito in maniera automatizzata
- Compatibilità con il sistema di automazione Ion Chef Instrument (Thermo Fisher Scientific) per la preparazione della library
- Compatibilità con i software Ion Reporter e Torrent Suite Software per l'analisi dei dati prodotti dalla piattaforma NGS
- Disponibilità di kit marchiati IVD per l'identificazione di marcatori oncologici principalmente utilizzati in diagnostica molecolare partendo da campioni fissati in formalina e inclusi in paraffina



- ritiro del PGM attualmente presente presso il Laboratorio di Genetica Medica.
- passaggio dei dati, con server , accessori e servizi

Qualora Codesta ditta produca e/o commercializzi i prodotti sopra descritti dovrà inviare la sola documentazione tecnica alla scrivente Servizio Acquisti Metropolitan all'indirizzo di posta elettronica [angela.melucci@ausl.bologna.it](mailto:angela.melucci@ausl.bologna.it) entro e non oltre le ore 9 del giorno 13/5/2020.

A disposizione per ogni altra informazione, si porgono distinti saluti.

Dott.ssa Rosanna Campa

Firmato digitalmente da:  
Rosanna Campa

Responsabile procedimento:  
Giuseppe Giorgi